

V. KESIMPULAN DAN SARAN

5.1. Kesimpulan

Kesimpulan yang dapat diambil berdasarkan penelitian dan analisis yang dilakukan yaitu

1. Nilai jarak genetik terendah yaitu 0,0000 dan jarak genetik tertinggi yaitu 0,0140. Nilai keragaman haplotipe pada sampel ikan Nilem adalah 0,73333. Berdasarkan nilai keragaman haplotipe, sampel ikan Nilem termasuk dalam kategori sedang.
2. Rekonstruksi pohon filogenetik menunjukkan keragaman ikan Nilem di Jawa dan Sumatera rendah. Hal ini dapat dilihat pada panjang cabang yang pendek pada semua sampel ikan Nilem dibandingkan *outgroup* yang lain. Namun percabangan terbentuk signifikan, di mana ada dua cabang utama untuk nilem; sampel penelitian ini juga terkelompok ke dalam dua cabang tersebut

5.2. Saran

Berdasarkan penelitian yang dilakukan disarankan perlu dilakukan pengambilan sampel yang lebih banyak dan lokasi yang merata untuk mendapatkan hasil yang lebih lengkap mengenai keragaman genetik ikan Nilem.