

## V. KESIMPULAN DAN SARAN

### A. Kesimpulan

Berdasarkan hasil penelitian dan pembahasan, dapat disimpulkan bahwa

1. Panjang sekuen IGS *trnT*(UGU)-*trnL*(UAA) pada beberapa kultivar *Catharanthus roseus* bervariasi, yaitu 779-923 bp, dan seluruh sekuen tersebut memiliki tingkat similaritas yang tinggi dengan sekuen genom kloroplas *C. roseus* kultivar Pacifica Punch Halo.
2. Terdapat perbedaan genetik di antara beberapa kultivar *C. roseus* berdasarkan sekuen IGS *trnT*(UGU)-*trnL*(UAA), baik berupa substitusi basa maupun indel.
3. Penggunaan IGS *trnT*(UGU)-*trnL*(UAA) sebagai penanda molekuler dalam konstruksi pohon filogenetik menunjukkan bahwa semua kultivar *C. roseus* memperlihatkan hubungan kekerabatan genetik yang dekat.

### B. Saran

Penelitian tentang penggunaan marka molekuler IGS *trnT*(UGU)-*trnL*(UAA) dalam mendeteksi perbedaan genetik beberapa kultivar *C. roseus* perlu diperluas cakupannya dengan melibatkan lebih banyak jumlah sampel dan kultivar. Hal ini dimaksudkan untuk memperoleh representasi keanekaragaman genetik dan hubungan filogenetik kultivar-kultivar *C. roseus* yang lebih akurat.