

V. KESIMPULAN DAN SARAN

A. Kesimpulan

Kesimpulan yang dapat diambil berdasarkan hasil dan pembahasan adalah sebagai berikut.

1. Dari 88 genotip padi namun hanya 72 genotip padi yang terkelompok menjadi 16 klaster dengan nilai koefisien kemiripan 0,62. Berdasarkan nilai koefisien kemiripan 0,62 tersebut keragaman genetik padi pada penelitian ini sempit dan kekerabatannya dekat. Keragaman genetik sempit dan kekerabatan dekat berarti genotip tersebut memiliki sifat yang mirip.
2. Varietas unggul Inpari IR Nutri Zinc berada di klaster kesembilan. Klaster kesembilan terdiri dari UBH 06 (52), IIA5-9-2-1 (82), IIA5-18-1-1 (83), Inpara 2 (74), IIA2-33-1-1 (80), UDE 01 (54), Siguanca-02 (70), Inpari 48 (75), Digdaya (76), A4-16-1-1 (81), dan Inpari IR Nutri Zinc (78). Klaster yang sama memiliki arti bahwa genotip tersebut memiliki banyak kemiripan berdasarkan marka molekuler.
3. Adapun untuk varietas unggul Inpari IR Nutri Zinc memiliki nilai koefisien berpasangan 0,7 (70%) dengan P20 Tangguh (1), IPB1R (6), IPB2R (7), Pamera (30), Arumba (32), 5R (35), 10R (36), 44 F (40), 58F (42), GH IPB 71 (44), UDE 01 (54), UDE 03 (56), UDE 06 (58), UDE 07 (59), UM-6 (67), Siguanca-02 (70), Inpari 48 (75), Digdaya (76), IIA2-33-1-1 (80), IIA5-9-2-1 (82), IIA5-18-1-1 (83), IIA5-42-1-1 (84), dan IIA7-20-1-1 (85). Kemudian nilai koefisien kemiripan berpasangan 0,8 (80%) dengan UM-8 (68), Inpara 2 (74), dan IIA2-33-1-1 (81) Maka genotip yang memiliki nilai koefisien kemiripan berpasangan 0,7 (70%) dan 0,8 (80%) kemungkinan memiliki sifat yang mirip dengan Inpari IR Nutri Zinc berdasarkan marka SSR terpaut kandungan zink.

B. Saran

Saran yang dapat diambil berdasarkan penelitian ini adalah DNA hasil ekstraksi sebaiknya memiliki kualitas dan kuantitas yang baik, hal tersebut berguna untuk mengurangi terjadinya *null allele*. Kemudian, pada proses elektroforesis sebaiknya dilakukan pada satu gel agarosa untuk mengurangi kesalahan dalam pengukuran pita. Selanjutnya, perlu dilakukan uji lanjut mengenai informasi kandungan zink untuk menambah data dalam menentukan keragaman genetik padi berdasarkan marka molekuler terpaut kandungan zink tinggi.

